



S.C. Gestione Acquisti
 Direttore: D.ssa Cinzia PE
 Tel. 0303995990 Fax 0303996089
 E-mail approvvigionamenti@spedalicivili.brescia.it

Brescia, 16/09/2024

Prot. n. **67803** /APPROVV/PE/re

A TUTTE LE DITTE INTERESSATE

OGGETTO: Procedura aperta per l'affidamento del servizio di informatizzazione del settore NGS Facility e del software per l'interpretazione delle varianti tipo Varsome, per un periodo di 72 mesi

Chiarimento n. 2

In risposta alla richiesta di chiarimenti pervenuta da parte di alcune ditte, si precisa quanto segue, riferito al lotto n.2:

Quesito 2: Nel Disciplinare di gara è presente una tabella a punteggio che sembra riferita al solo Lotto 1. Si chiede di confermare che non è prevista nessuna tabella a punteggio di valutazione caratteristiche preferenziali per il Lotto 2

Risposta 2: Di seguito viene pubblicata la tabella dei criteri di valutazione attinente al Lotto 2, che, per mero errore materiale, non è stata inserita all'interno del Disciplinare di Gara pubblicato sulla piattaforma.

n°	criteri di valutazione	sub-criteri di valutazione	PUNTEGGIO MASSIMO SUB CRITERI	PUNTEGGIO MASSIMO
1	CRITERIO 1	Sub criterio 1a: Caratteristiche della piattaforma anche con riguardo alle funzionalità per l'impostazione di classificazioni di varianti personalizzate, caratteristiche aggiuntive	25	45
		Sub criterio 1b: Caratteristiche funzionali del sistema, anche con riferimento alla creazione di database di campioni e varianti oltre che di modalità di generazione del referto clinico, caratteristiche aggiuntive	20	
2	CRITERIO 2	Sub criterio 2a: Modalità di Storage dei dati di sequenziamento utilizzando un sistema di criptazione con chiave fisica personale per ogni utente della rete che farà richiesta di sequenziamento alla NGS Facility, caratteristiche aggiuntive	15	25
		Sub criterio 2b: Sistema di Gestione della Sicurezza dei dati e delle Informazioni, caratteristiche aggiuntive	10	
	Totale		70	70



Quesito 3: Si chiede di specificare la target size dei pannelli per i quali si intende analizzare i file FASTQ e il numero di varianti dei pannelli per i quali si intende analizzare i file VCF.

Risposta 3: Si specifica quanto segue:

- Genetica (germinale): target size costante (45 Megabasi/esoma) per FASTQ; nessun pannello
- Anatomia patologica (somatica): da 0,1 a 2 Mbase (da 50 a 523 geni); fino a 2000 varianti/analisi file VCF

Quesito 4: Si chiede di specificare la quantità di campioni germinali e somatici da analizzare per anno.

Risposta 4: Si specifica quanto segue:

- Genetica (germinale): 500 campioni/anno
- Anatomia patologica (somatica): 1500 campioni/anno

Quesito 5: Si chiede di confermare che la certificazione CE-IVD è intesa sia per analisi germinali che somatiche

Risposta 5: si conferma

Quesito 6: Si chiede di specificare se la piattaforma di analisi deve essere intesa come un sistema di Software-as-a-Service (SaaS) ovvero un'applicazione in cloud, tramite web browser, sia per le varianti somatiche che germinali

Risposta 6: Si conferma.

Quesito 7: in considerazione della portata dello storage e in considerazione che il solo VCF è sufficiente ad una rianalisi dei dati, si chiede di precisare se per la durata contrattuale è sufficiente archiviare FastQ per 1 anno e VCF e analisi report fino alla fine della trattativa.

Risposta 7:

Nel confermare, si precisa che i FastQ dovranno risiedere nel long-term storage, mentre dovrà essere possibile recuperare i file .VCF e .BAM con cui viene effettuata l'analisi secondaria da un archivio che ne garantisca la disponibilità in tempi accettabili e minimizzando il traffico sulla rete geografica.

A disposizione per ulteriori chiarimenti, si porgono distinti saluti.

IL DIRETTORE
S.C. GESTIONE ACQUISTI
(D.ssa Cinzia Pe)
originale in atti firmato

Il Responsabile del Procedimento:

Dott.ssa Cinzia

Per Informazioni: Elisabetta Rossi, tel. 030/3995948